

Ringversuch: **AD1/26**  
im Monat: **Januar 2026**  
Teilnehmer-Nr.: **0005131**  
Gültig ab: **21.01.26**



Seite 1 von 5

MVZ Labor Limbach Erfurt GmbH  
Dr. med. Robert Siegmund  
Nordhäuser Str. 74  
99089 Erfurt



Bonn, 10. Februar 2026

## Zertifikat

Wir bestätigen Ihnen hiermit, dass Sie am Ringversuch für hämatologische Automatendifferenzierung im Blut teilgenommen haben.  
Dieses Zertifikat ist gemäß aktueller Version der RiLiBÄK gültig bis einschließlich Juli 2026.  
Sie haben die Anforderungen des Ringversuches für folgende Messgrößen erfüllt:

Neutroph. Gran.	(1)	Lymphozyten	(1)	Monozyten	(1)
Eosinoph. Gran.	(1)	Basophile Gran.	(1)	Thrombozyten, imp.	(1)

Prof. Dr. Dr. K. P. Kohse  
Ringversuchsleitung

Dr. Anja Kessler  
Leitung Referenzinstitut

Dr. Marika Enders  
EQAS-Board

Die hinter jedem Analyten angegebene Ziffer kennzeichnet die angewendete Analysenmethode.  
Die Zuordnung der Ziffer zur jeweiligen Methode ist der Gesamtauswertung zu entnehmen.

Dieses Zertifikat ist in Verbindung mit dem Abschlussbericht vom 09.02.26 gültig.  
Dieser steht im RfB-Online System zum Download zur Verfügung.

**Auflistung und Bewertung aller Ihrer Ergebnisse**

**Erläuterungen**

**Zertifikat**

Ein Zertifikat wird nur dann für eine Messgröße ausgestellt, wenn die Grundlagen für die Bewertung der Richtigkeit durch die Richtlinie der Bundesärztekammer gegeben ist bzw. wenn eine Bewertung in Analogie zu dieser Richtlinie (s. Hinweise zur Auswertung) möglich ist, und wenn beide Ergebnisse innerhalb der vorgegebenen Grenzen liegen. (Kennzeichnung unter B: +)

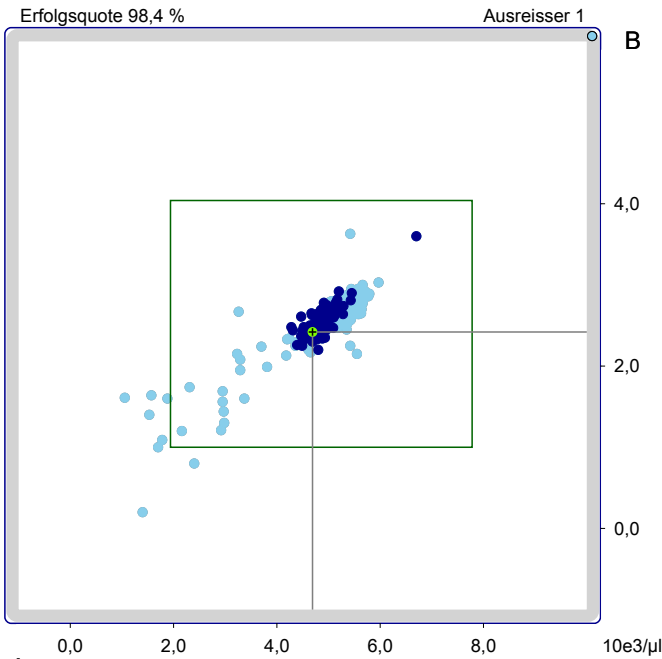
**Teilnahmebescheinigung**

In der Teilnahmebescheinigung sind alle Messgrößen aufgeführt, welche die Liste auf dieser Seite enthält. Wenn alle untersuchten Messgrößen im Zertifikat aufgeführt sind, entfällt der Ausdruck einer Teilnahmebescheinigung.

Zeichenerklärung: B=Bewertung, M=Methoden-Nr., E=Ihr Ergebnis, D=Abweichung (E-ZW) Dmax=Betrag der maximal zulässigen Messabweichung, z. T. vorgegeben durch die Anlage 1 der jeweils gültigen Richtlinie der BÄK. ZW=Zielwert, ggf. Referenzmethodenwert o. Sollwert, UG   OG = untere bzw. obere Grenze	Bewertung: + = erfüllt (Quotient   D/Dmax   <= 1.0 ) - = nicht erfüllt (Quotient   D/Dmax   > 1.0 ) ± = Bewertung entfällt aus analytischen oder technischen Gründen
---	--

	B	M	E	D/Dmax	ZW	UG	OG								
Neutroph. Gran. [10e3/µl]	+	1	A	4.69	-0.06	4.86	1.94	7.78							
			B	2.42	-0.07	2.52	1.00	4.04							
Lymphozyten [10e3/µl]	+	1	A	1.10	-0.02	1.11	0.444	1.78							
			B	1.40	-0.01	1.41	0.564	2.26							
Monozyten [10e3/µl]	+	1	A	0.710	0.02	0.698	0.279	1.12							
			B	0.370	0.50	0.280	0.100	0.460							
Eosinoph. Gran. [10e3/µl]	+	1	A	0.550	-0.06	0.570	0.228	0.912							
			B	0.080	0.08	0.070	0	0.190							
Basophile Gran. [10e3/µl]	+	1	A	0	-1.00	0.150	0	0.240							
			B	0.070	0	0.070	0	0.130							
Thrombozyten, imp. [10e3/µl]	+	1	A	239											
			B	234	0.26	225	191	259							

Analyt **Neutroph. Gran.**  
Methode Alle Methoden



**A**

Teilnehmerzahl	<b>396</b>	
Probe/Einheit	A	10~3~/µl
Mittelwert	5.08	2.62
Standardabweichung	0.712	0.332
Variationskoeffizient	14.0	12.7

**Probe A [10e3/µl]**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	396	1.06	4.80	5.30	5.50	73.3	
1	13	10	1.40	1.53	3.13	4.30	
1	19	3	1.06		2.92	73.3	
1	22	17	4.61	5.19	5.45	5.67	
1	63	89	4.28	4.61	4.86	5.09	
1	64	240	1.78	5.21	5.37	5.51	
1	67	3	4.93		5.42	5.64	
1	73	14	5.01	5.09	5.27	5.53	
1	75	4	4.83		5.20	5.58	
1	81	5	1.53		2.95	3.23	

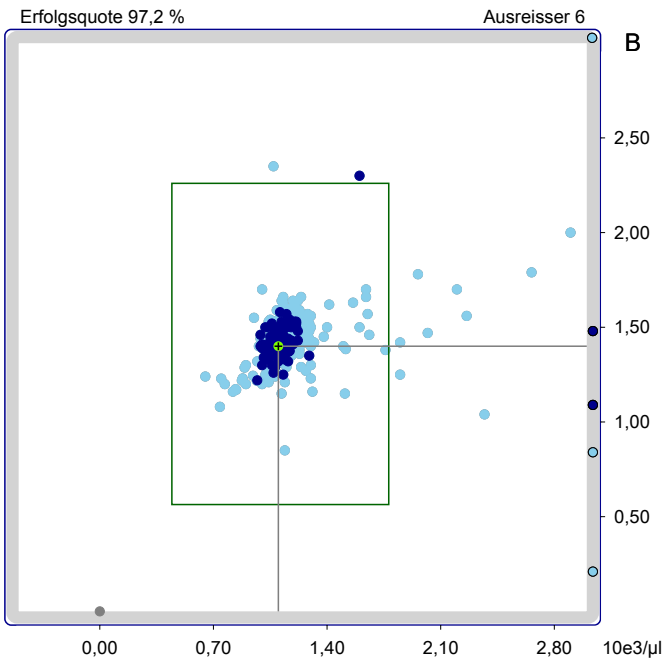
**Probe B [10e3/µl]**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	396	0.200	2.45	2.70	2.80	64.9	
1	13	10	0.200	1.14	1.80	2.34	
1	19	3	1.21		1.61	64.9	
1	22	17	2.20	2.61	2.80	2.88	
1	63	89	2.20	2.38	2.52	2.72	
1	64	240	1.09	2.64	2.73	2.82	
1	67	3	2.41		2.69	2.70	
1	73	14	2.60	2.66	2.75	2.85	
1	75	4	2.55		2.61	2.74	
1	81	5	1.30		1.69	2.15	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A -3.5 % B -3.9 %

Andere Kits (Anzahl):  
1-10(1), 1-18(1), 1-26(1), 1-66(1), 1-70(1), 1-74(1), 1-84(1), 1-87(1), 1-99(1), 1-101(2),

Analyt **Lymphozyten**  
Methode Alle Methoden



**A**

Teilnehmerzahl	<b>401</b>	
Probe/Einheit	A	10~3~/µl
Mittelwert	1.17	1.45
Standardabweichung	0.209	0.130
Variationskoeffizient	17.9	8.99

**Probe A [10e3/µl]**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	401	0.650	1.06	1.14	1.23	95.0	
1	13	10	0.950	1.28	1.65	3.44	
1	19	3	1.14		1.52	10.6	
1	22	17	0.650	0.767	0.900	1.01	
1	63	89	0.970	1.04	1.11	1.18	
1	64	240	0.990	1.09	1.15	1.22	
1	67	3	1.18		1.18	1.23	
1	70	4	1.30		1.50	1.60	
1	73	14	0.980	1.03	1.13	1.19	
1	75	4	0.740		0.860	1.04	
1	81	5	1.28		1.85	2.02	

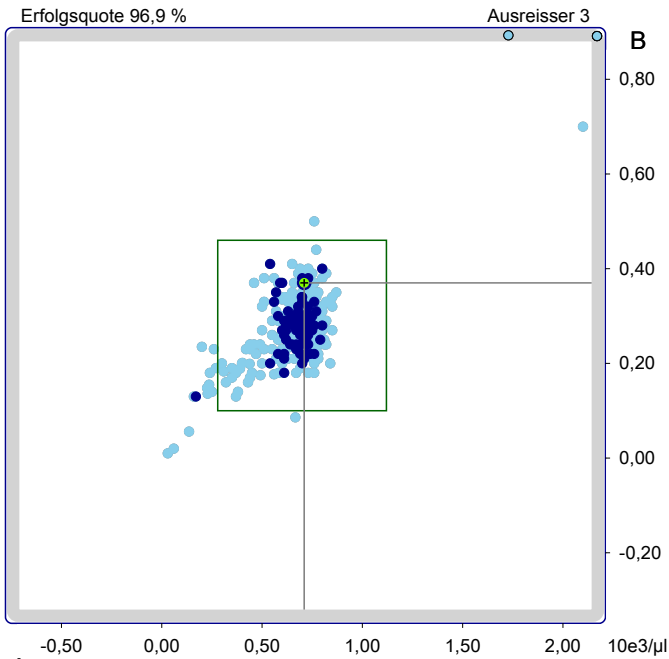
**Probe B [10e3/µl]**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	401	0.210	1.35	1.45	1.54	29.8	
1	13	10	0.840	0.992	1.57	1.79	
1	19	3	0.850		1.39	29.8	
1	22	17	1.15	1.17	1.22	1.30	
1	63	89	1.09	1.34	1.41	1.50	
1	64	240	1.16	1.40	1.48	1.56	
1	67	3	1.36		1.53	1.60	
1	70	4	1.40		1.50	1.50	
1	73	14	1.25	1.35	1.43	1.53	
1	75	4	1.08		1.18	1.23	
1	81	5	1.25		1.46	1.53	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A -0.9 % B -0.7 %

Andere Kits (Anzahl):  
1-10(1), 1-18(1), 1-26(1), 1-66(1), 1-68(1), 1-74(1), 1-84(1), 1-87(1), 1-99(2), 1-101(2),

Analyt **Monozyten**  
Methode Alle Methoden



**A**

Teilnehmerzahl	<b>396</b>		
Probe/Einheit	A	10~3~/µl	B
Mittelwert	0.674		0.278
Standardabweichung	0.153		0.065
Variationskoeffizient	22.6		23.7

**Probe A [10e3/µl]**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		396	0.030	0.590	0.710	0.770	6.10
1	13	10	0.060	0.136	0.395	0.527	0.580
1	19	3	0.030		0.200		6.10
1	22	17	0.226	0.235	0.380	0.594	0.600
1	63	89	0.170	0.610	0.698	0.736	0.800
1	64	240	0.350	0.660	0.730	0.780	0.870
1	67	3	0.690		0.720		0.750
1	73	14	0.460	0.562	0.705	0.774	0.850
1	75	4	0.440		0.480		0.510
1	81	5	0.260		0.390		0.666

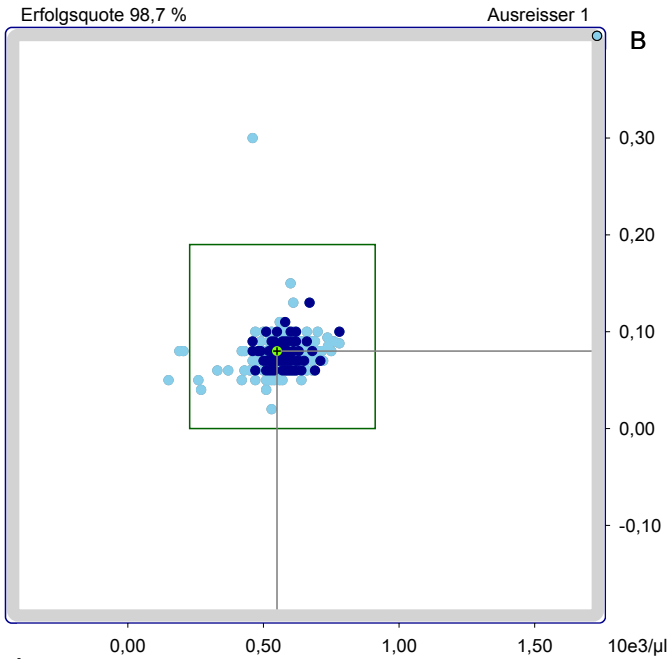
**Probe B [10e3/µl]**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		396	0.010	0.220	0.280	0.340	3.60
1	13	10	0.020	0.104	0.180	0.269	0.330
1	19	3	0.010		0.235		3.60
1	22	17	0.136	0.140	0.180	0.212	0.226
1	63	89	0.130	0.230	0.280	0.320	0.410
1	64	240	0.170	0.240	0.290	0.340	0.500
1	67	3	0.280		0.300		0.340
1	73	14	0.210	0.230	0.275	0.362	0.370
1	75	4	0.230		0.240		0.320
1	81	5	0.086		0.183		0.230

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A 1.7 % B 32 %

Andere Kits (Anzahl):  
1-10(1), 1-18(1), 1-26(1), 1-66(1), 1-74(1), 1-84(1), 1-87(1), 1-99(2), 1-101(2),

Analyt **Eosinoph. Gran.**  
Methode Alle Methoden



**A**

Teilnehmerzahl	<b>392</b>		
Probe/Einheit	A	10~3~/µl	B
Mittelwert	0.574		0.076
Standardabweichung	0.072		0.018
Variationskoeffizient	12.6		23.3

**Probe A [10e3/µl]**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		392	0.150	0.520	0.570	0.630	9.60
1	13	10	0.150	0.234	0.395	0.530	0.530
1	19	3	0.205		0.560		9.60
1	22	17	0.610	0.658	0.700	0.751	0.780
1	63	89	0.460	0.520	0.570	0.616	0.780
1	64	240	0.190	0.530	0.580	0.620	0.720
1	67	3	0.550		0.570		0.570
1	73	14	0.540	0.558	0.625	0.662	0.680
1	75	4	0.430		0.460		0.500
1	81	5	0.500		0.553		0.645

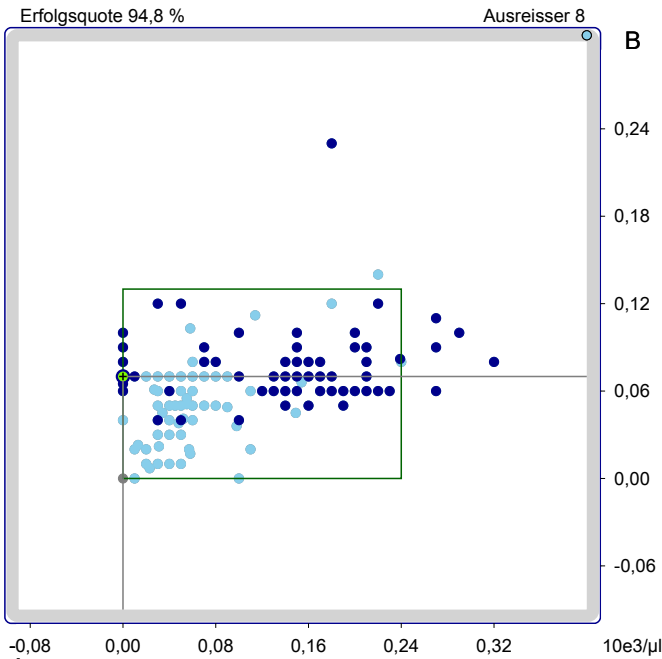
**Probe B [10e3/µl]**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		392	0.020	0.060	0.080	0.090	1.50
1	13	10	0.020	0.035	0.060	0.100	0.100
1	19	3	0.060		0.080		1.50
1	22	17	0.071	0.077	0.080	0.100	0.100
1	63	89	0.060	0.060	0.070	0.090	0.130
1	64	240	0.050	0.060	0.080	0.090	0.300
1	67	3	0.080		0.080		0.080
1	73	14	0.070	0.070	0.080	0.086	0.100
1	75	4	0.050		0.060		0.070
1	81	5	0.040		0.065		0.076

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A -3.5 % B 14 %

Andere Kits (Anzahl):  
1-26(1), 1-66(1), 1-74(1), 1-84(1), 1-87(1), 1-101(2),

Analyt **Basophile Gran.**  
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	<b>390</b>		
Probe/Einheit	A	10~3~/μl	B
Mittelwert	0.065		0.052
Standardabweichung	0.056		0.021
Variationskoeffizient	86.6		41.0

**Probe A [10e3/μl]**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		390	0	0.030	0.050	0.126	0.400
1	13	10	0.020	0.020	0.035	0.087	0.110
1	19	3	0.010		0.010		0.400
1	22	17	0	0.023	0.050	0.098	0.200
1	63	87	0	0.150	0.210	0.320	
1	64	240	0	0.040	0.040	0.050	0.220
1	67	3	0.050		0.050		0.240
1	73	14	0.030	0.030	0.045	0.050	0.050
1	75	4	0.060		0.085		0.140
1	81	5	0.110		0.149		0.180

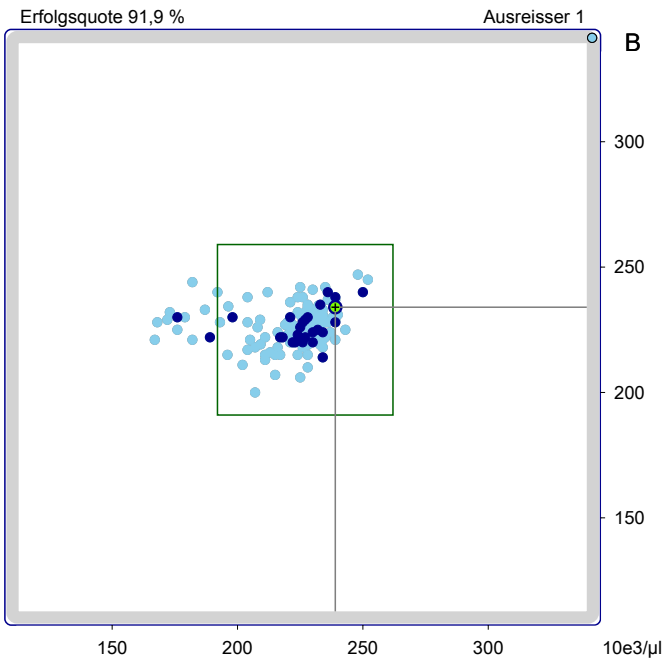
**Probe B [10e3/μl]**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		390	0	0.040	0.050	0.070	1.00
1	13	10	0.010	0.010	0.035	0.070	0.070
1	19	3	0		0.020		1.00
1	22	17	0	0.008	0.040	0.065	0.103
1	63	87	0	0.060	0.070	0.090	0.230
1	64	240	0	0.040	0.050	0.060	0.140
1	67	3	0.040		0.050		0.080
1	73	14	0.030	0.030	0.050	0.060	0.060
1	75	4	0.070		0.070		0.080
1	81	5	0.045		0.066		0.120

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A -100 % B 0 %

Andere Kits (Anzahl):  
1-26(1), 1-66(1), 1-74(1), 1-84(1), 1-87(1), 1-101(2),

Analyt **Thrombozyten, imp.**  
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	<b>136</b>		
Probe/Einheit	A	10~3~/μl	B
Mittelwert	221		226
Standardabweichung	17.2		8.27
Variationskoeffizient	7.79		3.65

**Probe A [10e3/μl]**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		136	167	207	226	234	192000
1	13	4	212		219		225
1	22	4	202		208		215
1	63	27	176	217	227	238	250
1	64	88	167	207	226	234	192000
1	73	6	173		215		239
1	99	2	211		214		217
1	101	2	204		218		232

**Probe B [10e3/μl]**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		136	200	219	226	235	227000
1	13	4	218		231		242
1	22	4	200		209		219
1	63	27	214	220	225	235	240
1	64	88	206	219	226	234	227000
1	73	6	218		233		237
1	99	2	213		214		215
1	101	2	235		236		238

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A 5.2 % B 4.0 %

Andere Kits (Anzahl):  
1-19(1), 1-75(1), 1-84(1),